

附件二：

报告专家简介

Dr. Ansgar Poetsch, 青岛海洋科学与技术试点国家实验室
ansgar.poetsch@qnlm.ac

长期致力于新型质谱技术的开发及应用，主要研究领域包括基于质谱的蛋白质组学与代谢组学。曾在德国的两处科研院所及大学设立、运行并管理了生物质谱学实验平台，现担任青岛海洋科学与技术试点国家实验室技术主管，在德国的两处科研院所设立、运行并管理了生物质谱学实验平台；先后出版四本专著，七十余篇国际期刊论文，获得多种奖学金及国内外重大科研奖项，多项国际专利，在多个世界级高水平学术期刊如 Nature, Nature Communications, EMBO J 等上发表了论文。



报告概要：

- 靶向蛋白质组学和定量方法介绍
- Omics 数据集成
- 以海洋微藻压力适应性研究为例介绍蛋白组学中的数据整合方法

Dr. Vikram Sharma, 英国普利茅斯大学
vikram.sharma@plymouth.ac.uk

德里福德蛋白质组学核心实验室负责人。研究方向为基于 LC-MS 的蛋白质组学分析技术和生物信息学，专注于为各种生物研究基于定制 LC-MS 的蛋白质组学工作流程，擅长对表观遗传翻译后修饰及其在疾病病理，癌症和毒性反应进行研究分析。



报告概要：

- 代谢组学和蛋白质组学技术介绍
- 质谱和 LC + GC 介绍
- 鱼蛋白鉴定技术介绍(方法细节，注意事项，面临问题)

Dr. Edwin Lasonder, 英国诺亚比森大学

edwin.lasonder@northumbria.ac.uk

英国诺亚比森大学高级讲师,研究方向为基于质谱的蛋白质组学在生物医学研究特别是在疟疾和癌症等人类疾病诊断治疗中的应用,参与了MALSIG和欧洲虚拟疟疾研究所组织的多个研究疟疾的国际项目,



报告概要:

- 相对蛋白质定量技术
- 蛋白质修饰, 其功能, 鉴定和定量
- 疟疾蛋白质组学

Dr. Xiaoling Zang, 中国海洋大学

zangxiaoling@ouc.edu.cn

中国海洋大学药学院副教授。研究方向为基于LC-MS的代谢组学解析前列腺癌,肺部疾病等生物标志物,基于MS的新型化合物鉴定方法。

报告概要 :

- 代谢组学样品制备和数据分析
- 新型化合物鉴定: 离子迁移方法
- 质谱技术的量化方法
- 质谱技术在海洋研究中的应用

